**LongRNAs jako prognostické biomarkery u meningiomů**

MEG3 je imprintovaný gen, nacházející se na chromozomu 14, který kóduje přibližně 1,6 kb lncRNA. LncRNA jsou stabilní v tělních tekutinách a zapojeny do mnoha buněčných procesů. Mají důležitou roli ve vývoji různých nádorových onemocnění, například meningiomů - nádorů pocházejících z mozkových plen. Meningiomy jsou známé svou rekurencí, dokonce i benigních forem, v průběhu 5 až 10 let. Gen MEG3 je možné detekovat pomocí RNA in situ hybridizace (RISH). Metoda RISH se jeví jako vhodná metoda pro analýzu lokalizace a míry exprese MEG3. V diplomové práci byly zjištěny signifikantní rozdíly ve tvorbě klastrů transkriptu MEG3 při porovnání rekurentních a nerekurentních pacientů, avšak metoda zatím není vhodná pro použití v klinické praxi jako predikce prognózy. Bylo potvrzeno, že s vyšším WHO gradem stoupá riziko rekurence, avšak nebyla nalezena žádná spojitost mezi MEG3 a WHO gradem z hlediska míry exprese a lokalizace.